

pATB-MBP-2EK-8H 原核表达高促溶表达载体

载体简介：

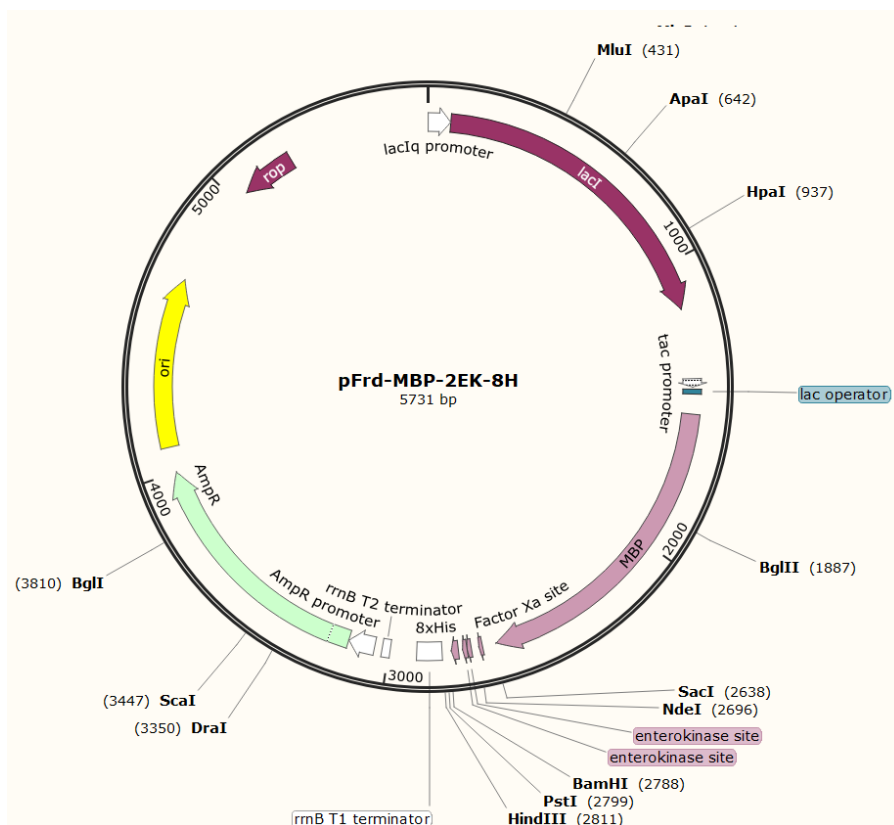
本载体经过 ANTBDY 设计优化，带有麦芽糖结合蛋白（Maltose binding protein, MBP）标签，MBP 标签分子量约为 40kDa，MBP 标签不但可以促进表达，而且可以作为纯化标签，纯化填料为直链淀粉，洗脱为麦芽糖温和洗脱，最大程度保护蛋白活性不受损伤。

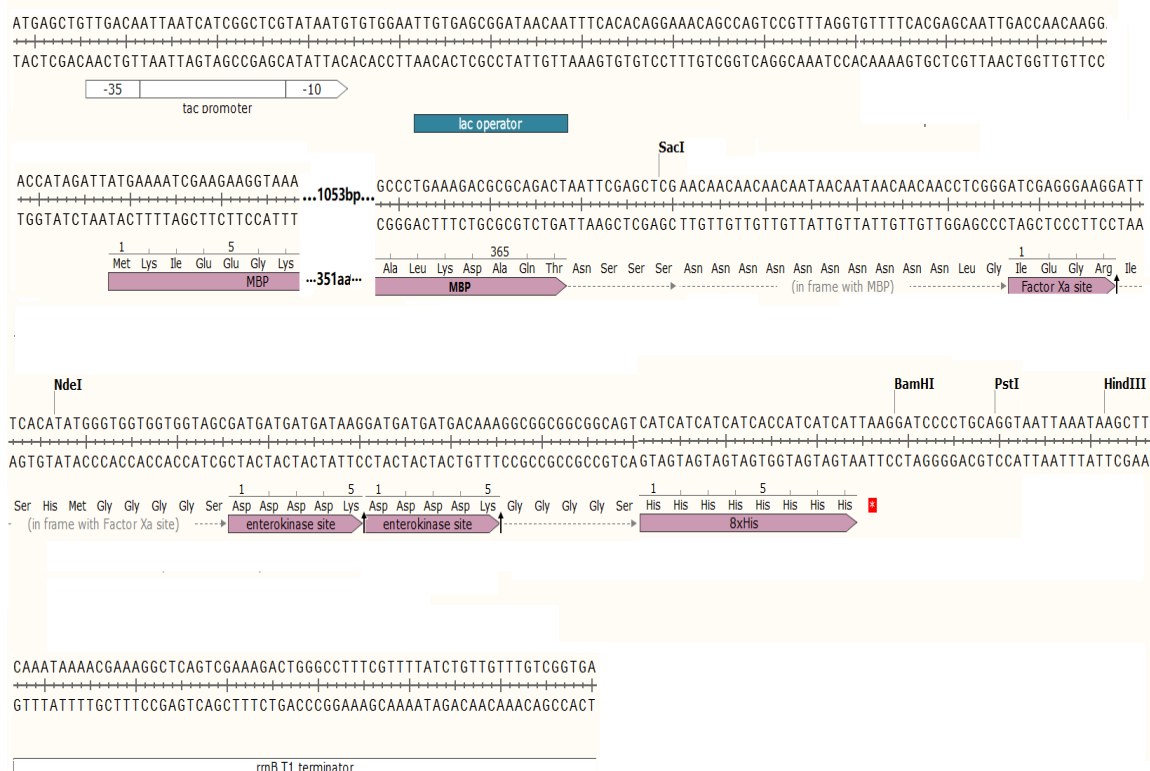
本载体为 tac 强启动子，配合 MBP 的起始位点，更高效的表达目的蛋白。

本载体采用双纯化标签（MBP 和 8His），便于纯化策略的选择，和双标签二次纯化，该双标签也更利于柱上切割纯化。

本载体特意加长了组氨酸标签，使其与 NTA-Ni 亲和力更强。

本载体采用双切割标签并在标签切割位点附近加长了延长臂，使其酶切不受位阻影响；别切特意设计了肠激酶（Enterokinase, EK）双位点，保证切割的效率，同时本切割位点也是 flag 标签序列，在重组蛋白表达时可以借助其进行 Western Blot 进行表达验证。





载体完整序列：

CCGACACCATCGAATGGTGCAAAACCTTTCGCGGTATGGCATGATAGCGCCCGGAAGAGAGTCAATTACAGGGTG
GTGAATGTGAAACCAGTAACGTTATACGATGTCGCAGAGTATGCCGGTGTCTCTTATCAGACCGTTTCCCGCGTGGTGA
ACCAGGCCAGCCACGTTTCTGCGAAAACGCGGGAAAAAGTGGAAAGCGGCGATGGCGGAGCTGAATTACATTCCCAAC
CGCGTGGCACAACAACCTGGCGGGCAAACAGTCGTTGCTGATTGGCGTTGCCACCTCCAGTCTGGCCCTGCACGCGCCG
TCGCAAATTGTCGCGGCGATTAAATCTCGCGCCGATCAACTGGGTGCCAGCGTGGTGGTGTGCGATGGTAGAACGAAGC
GGCGTCGAAGCCTGTAAAGCGGCGGTGCACAATCTTCTCGCGCAACGCGTCAGTGGGCTGATCATTAACTATCCGCTG
GATGACCAGGATGCCATTGCTGTGGAAGCTGCCTGCACTAATGTTCCGGCGTTATTTCTTGATGTCTCTGACCAGACACC
CATCAACAGTATTATTTTCTCCCATGAAGACGGTACGCGACTGGGCGTGGAGCATCTGGTCGATTGGGTACCAGCAA
ATCGCGCTGTTAGCGGGCCCATTAAGTTCTGTCTCGGCGCGTCTGCGTCTGGCTGGCTGGCATAAATATCTCACTCGCAA
TCAAATTACGCCGATAGCGGAACGGGAAGGCGACTGGAGTGCCATGTCCGGTTTTCAACAAACCATGCAAATGCTGAA
TGAGGGCATCGTTCCTACTGCGATGCTGGTTGCCAACGATCAGATGGCGCTGGGCGCAATGCGCGCCATTACCGAGTC
CGGGCTGCGCGTTGGTGCGGATATTTGCGTAGTGGGATACGACGATACCGAAGACAGCTCATGTTATATCCCGCCGTTA
ACCACCATCAAACAGGATTTTCGCTGCTGGGGCAAACCAGCGTGGACCGCTTGCTGCAACTCTCTCAGGGCCAGGCG
GTGAAGGGCAATCAGCTGTTGCCCGTCTCACTGGTGAAAAGAAAAACACCCTGGCGCCCAATACGCAAACCGCCTCT
CCCCGCGCGTTGGCCGATTCAATTAATGCAGCTGGCACGACAGTTTCCCGACTGGAAAGCGGGCAGTGAGCGCAACGC
AATTAATGTAAGTTAGCTCACTCATTAGGCACAATTCTCATGTTTGACAGCTTATCATCGACTGCACGGTGCACCAATGC
TTCTGGCGTCAGGCAGCCATCGGAAGCTGTGGTATGGCTGTGCAGGTCGTAAATCACTGCATAATTCGTGTGCTCAAG
GCGCACTCCCGTTCTGGATAATGTTTTTTCGCCGACATCATAACGGTTCTGGCAAATATTCTGAAATGAGCTGTTGACA
ATTAATCATCGGCTCGTATAATGTGTGGAATTGTGAGCGGATAACAATTTACACAGGAAACAGCCAGTCCGTTTAGGT
GTTTTACAGCAATTGACCAACAAGGACCATAGATTATGAAAATCGAAGAAGGTAAACTGGTAATCTGGATTAAACGGC

GATAAAGGCTATAACGGTCTCGCTGAAGTCGGTAAGAAATTCGAGAAAGATACCGGAATTAAGTCAACCGTTGAGCAT
CCGGATAAACTGGAAGAGAAATTTCCACAGGTTGCGGCAACTGGCGATGGCCCTGACATTATCTTCTGGGCACACGAC
CGCTTTGGTGGCTACGCTCAATCTGGCCTGTTGGCTGAAATCACCCGACAAAGCGTTCAGGACAAGCTGTATCCGT
TTACCTGGGATGCCGTACGTTACAACGGCAAGCTGATTGCTTACCCGATCGCTGTTGAAGCGTTATCGCTGATTTATAAC
AAAGATCTGCTGCCGAACCCGCCAAAAACCTGGGAAGAGATCCCGGCGCTGGATAAAGAACTGAAAGCGAAAGGTAA
GAGCGCGCTGATGTTCAACCTGCAAGAACCGTACTTCACCTGGCCGCTGATTGCTGCTGACGGGGTTATGCGTTCAAG
TATGAAAACGGCAAGTACGACATTAAAGACGTGGGCGTGGATAACGCTGGCGCGAAAGCGGGTCTGACCTTCCTGGTT
GACCTGATTA AAAACAAACACATGAATGCAGACACCGATTACTCCATCGCAGAAGCTGCCTTTAATAAAGGCGAAACA
GCGATGACCATCAACGGCCCCGTGGGCATGGTCCAACATCGACACCAGCAAAGTGAATTATGGTGTAAACGGTACTGCCG
ACCTTCAAGGGTCAACCATCCAAACCGTTCTGTTGGCGTGTGAGCGCAGGTATTAACGCCGCCAGTCCGAACAAAGAG
CTGGCAAAGAGTTCTCGAAAATCTGCTGACTGATGAAGGTCTGGAAGCGGTTAATAAAGACAAACCGCTGGGT
GCCGTAGCGCTGAAGTCTTACGAGGAAGAGTTGGTGAAGATCCGCGTATTGCCGCCACTATGGAAAACGCCCAGAAA
GGTGAATCATGCCGAACATCCCGCAGATGTCCGCTTTCTGGTATGCCGTGCGTACTGCGGTGATCAACGCCGCCAGCG
GTCGTCAGACTGTCGATGAAGCCCTGAAAGACGCGCAGACTAATTCGAGCTCGAACAACAACAATAACAATAACA
ACAACCTCGGGATCGAGGGAAGGATTTACATATGGGTGGTGGTGGTAGCGATGATGATGATAAGGATGATGATGACA
AAGGCGGCGGCGGCAGTCATCATCATCACCATCATCATTAAAGATCCCCTGCAGGTAATTAATAAGCTTCAAATA
AAACGAAAGGCTCAGTCGAAAGACTGGGCCTTTCTGTTTATCTGTTGTTTGTGCGGTGAACGCTCTCCTGAGTAGGACAA
ATCCGCCGGGAGCGGATTTGAACGTTGCGAAGCAACGGCCCCGAGGGTGGCGGGCAGGACGCCCGCCATAAACTGCC
AGGCATCAAATTAAGCAGAAGGCCATCCTGACGGATGGCCTTTTGTGCTTCTACAAACTCTTCGGTCCGTTGTTTATT
TTCTAAATACATTCAAATATGTATCCGCTCATGAGACAATAACCTGATAAATGCTTCAATAATATTGAAAAAGGAAGAG
TATGAGTATTCAACATTTCCGTGTGCGCCTTATTCCCTTTTTGCGGCATTTGCTTCCTGTTTTGCTCACCCAGAAACG
CTGGTGAAGTAAAAGATGCTGAAGATCAGTTGGGTGCACGAGTGGGTACATCGAACTGGATCTCAACAGCGGTAAG
ATCCTTGAGAGTTTTGCCCCGAAGAAGGTTTCCAATGATGAGCACTTTAAAGTTCTGCTATGTGGCGCGGTATTATC
CCGTGTTGACGCCGGGCAAGAGCAACTCGGTCGCCGCATACACTATTCTCAGAATGACTTGGTTGAGTACTACCAGTC
ACAGAAAAGCATCTTACGGATGGCATGACAGTAAGAGAATTATGCAGTGCTGCCATAACCATGAGTGATAAACTGCG
GCCAACTTACTTCTGACAACGATCGGAGGACCGAAGGAGCTAACCGCTTTTTTGACAACATGGGGGATCATGTAATC
GCCTTGATCGTTGGGAACCGGAGCTGAATGAAGCCATACCAAACGACGAGCGTGACACCACGATGCCTGTAGCAATGG
CAACAACGTTGCGCAAACCTATTAAGTGGCGAACTACTTACTTAGCTTCCCGCAACAATTAAGACTGGATGGAGGC
GGATAAAGTTGCAGGACCACTTCTGCGCTCGGCCCTTCGGCTGGCTGGTTATTGCTGATAAATCTGGAGCCGGTGAG
CGTGGGTCTCGCGGTATCATTGCAGCACTGGGGCCAGATGGTAAGCCCTCCCGTATCGTAGTTATCTACACGACGGGGA
GTCAGGCAACTATGGATGAACGAAATAGACAGATCGCTGAGATAGGTGCCTCACTGATTAAGCATTGGTAACTGTCAG
ACCAAGTTTACTCATATATACTTTAGATTGATTTCTTAGGACTGAGCGTCAACCCCGTAGAAAAGATCAAAGGATCTTC
TTGAGATCCTTTTTTCTGCGCGTAATCTGCTGCTTGCAAACAAAAAACACCGCTACCAGCGGTGGTTTGTGTTGCCGG
ATCAAGAGCTACCAACTCTTTTTCCGAAGGTAAGTGGCTTCAGCAGAGCGCAGATACCAAATACTGTCCTTCTAGTGATG
CCGTAGTTAGGCCACCACTTCAAGAACTCTGTAGACCGCCTACATACCTCGCTCTGCTAATCCTGTTACCAGTGGCTGC
TGCCAGTGGCGATAAGTCGTGTCTTACCGGGTTGGACTCAAGACGATAGTTACCGGATAAGGCGCAGCGGTGGGCTG
AACGGGGGGTTCGTGCACACAGCCCAGCTTGAGCGAACGACCTACACCGAACTGAGATACCTACAGCGTGAGCTATG
AGAAAGCGCCACGCTTCCCGAAGGGAGAAAGGCGGACAGGTATCCGTAAGCGGCAGGGTGGGAACAGGAGAGCGC
ACGAGGGAGCTTCCAGGGGGAAACGCCTGGTATCTTTATAGTCCTGTGCGGTTTCGCCACCTCTGACTTGAGCGTCGAT
TTTTGTGATGCTCGTCAGGGGGGCGGAGCCTATGAAAAACGCCAGCAACGCGGCCTTTTACGGTTCCTGGCCTTTTG
CTGGCCTTTTGCTCACATGTTCTTCTGCGTTATCCCCTGATTCTGTGGATAACCGTATTACCGCCTTTGAGTGAGCTGA
TACCGCTCGCCGAGCCGAACGACCGAGCGCAGCGAGTCAGTGAGCGAGGAAGCGGAAGAGCGCCTGATGCGGTATT

TTCTCCTTACGCATCTGTGCGGTATTTACACCGCATATAAGGTGCACTGTGACTGGGTCATGGCTGCGCCCCGACACCC
GCCAACACCCGCTGACGCGCCCTGACGGGCTTGTCTGCTCCCGGCATCCGCTTACAGACAAGCTGTGACCGTCTCCGG
GAGCTGCATGTGTCAGAGGTTTTACCGTCATACCGAAACGCGCGAGGCAGCTGCGGTAAAGCTCATCAGCGTGGTC
GTGCAGCGATTACAGATGTCTGCCTGTTTCATCCGCGTCCAGCTCGTTGAGTTTCTCCAGAAGCGTTAATGTCTGGCTTC
TGATAAAGCGGGCCATGTTAAGGGCGGTTTTTCTGTTTGGTCACTGATGCCTCCGTGTAAGGGGGATTTCTGTTTCATG
GGGGTAATGATACCGATGAAACGAGAGAGGATGCTCACGATACGGGTTACTGATGATGAACATGCCCGGTTACTGGAA
CGTTGTGAGGGTAAACAACACTGGCGGTATGGATGCGGCGGGACCAGAGAAAAATCACTCAGGGTCAATGCCAGCGCTTC
GTTAATACAGATGTAGGTGTTCCACAGGGTAGCCAGCAGCATCCTGCGATGCAGATCCGGAACATAATGGTGCAGGGC
GCTGACTTCCGCGTTTCCAGACTTTACGAAACACGGAAACCGAAGACCATTTCATGTTGTTGCTCAGGTCGCAGACGTTTT
GCAGCAGCAGTCGCTTCACGTTGCTCGCGTATCGGTGATTTCATTCTGCTAACAGTAAGGCAACCCCGCCAGCCTAGC
CGGGTCCTCAACGACAGGAGCACGATCATGCGCACCCGTGGCCAGGACCCAACGCTGCCCCGAAATT